

Grille d'auto-évaluation de la stratégie de résolution

Ma stratégie de résolution est complète si j'ai noté :	Auto-évaluation complétude	Ma stratégie de résolution est juste si les éléments ci-dessous apparaissent :	Auto-évaluation exactitude
- ce que je sais sur le sujet ;		Si le gène de la lactase est identique chez les individus « LP » et « LNP » alors on peut supposer que la différence entre les deux phénotypes est due à une mutation dans une séquence régulatrice de l'expression du gène de la lactase.	
- ce que je cherche ;		Pour tester mon hypothèse , je vais comparer les séquences génétiques des allèles des séquences régulatrices du gène de la lactase d'un individu « LP » et d'un individu « LNP » à l'aide du logiciel Geniegen2.	
- ce que je m'attends à obtenir.		Si mon hypothèse est vraie, alors je devrais trouver au moins une différence entre les deux séquences.	
- comment je vais m'y prendre pour trouver et avec quoi ;		Afin de retrouver quel est le phénotype ancestral, avec le même logiciel, je vais comparer les séquences génétiques de la région régulatrice du gène de la lactase des individus « LP » et « LNP » actuels à celle du chimpanzé.	
		Si la séquence d'ADN du chimpanzé est similaire à la séquence de l'individu actuel « LP » (« LNP ») alors c'est le phénotype « LP » (« LNP ») qui est ancestral.	

Grille d'auto-évaluation de la stratégie de résolution

Ma stratégie de résolution est complète si j'ai noté :	Auto-évaluation complétude	Ma stratégie de résolution est juste si les éléments ci-dessous apparaissent :	Auto-évaluation exactitude
- ce que je sais sur le sujet ;		Si le gène de la lactase est identique chez les individus « LP » et « LNP » alors on peut supposer que la différence entre les deux phénotypes est due à une mutation dans une séquence régulatrice de l'expression du gène de la lactase.	
- ce que je cherche ;		Pour tester mon hypothèse , je vais comparer les séquences génétiques des allèles des séquences régulatrices du gène de la lactase d'un individu « LP » et d'un individu « LNP » à l'aide du logiciel Geniegen2.	
- ce que je m'attends à obtenir.		Si mon hypothèse est vraie, alors je devrais trouver au moins une différence entre les deux séquences.	
- comment je vais m'y prendre pour trouver et avec quoi ;		Afin de retrouver quel est le phénotype ancestral, avec le même logiciel, je vais comparer les séquences génétiques de la région régulatrice du gène de la lactase des individus « LP » et « LNP » actuels à celle du chimpanzé.	
		Si la séquence d'ADN du chimpanzé est similaire à la séquence de l'individu actuel « LP » (« LNP ») alors c'est le phénotype « LP » (« LNP ») qui est ancestral.	